

SERVICE DE GENETIQUE
DES TUMEURS
DR E.ROULEAU
CHEF DE SERVICE
Tél. : 33 (0)1 42 11 44 08
etienne.rouleau@gustaveroussy.fr

BIOLOGIE MOLÉCULAIRE
DR S.COTTERET
Tél. : 33 (0)1 42 11 41 45
sophie.cotteret@gustaveroussy.fr

DR L.LACROIX
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 35
ludovic.lacroix@gustaveroussy.fr

DR D. VASSEUR
Tél. : 33 (0)1 42 11 43 64
damien.vasseur@gustaveroussy.fr

CYTOGÉNÉTIQUE
DR N.AUGER
agrément en cytogénétique AG13-3863GEN
Tél. : 33 (0)1 42 11 65 49
nathalie.auger@gustaveroussy.fr

DR S.COTTERET
Tél. : 33 (0)1 42 11 41 45
sophie.cotteret@gustaveroussy.fr

DR A.VALENT
agrément en cytogénétique AG13-4248GEN
Tél. : 33 (0)1 42 11 54 21
alexander.valent@gustaveroussy.fr

F.COCHETEU
CADRE PLATEFORME
DE GENETIQUE DES TUMEURS
Tél. : 33 (0)1 42 11 65 92
Florence.cocheteux@gustaveroussy.fr

SECRETARIAT
A.GALLAND
Tél. : 33 (0)1 42 11 47 79
aude.galland@gustaveroussy.fr

N.CASTOR
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 70
natacha.castor@gustaveroussy.fr

A.DAMIAN
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 23
audrey.windels@gustaveroussy.fr

Fax : 33 (0)1 42 11 44 01

DEMANDE DE RECHERCHE DE MUTATIONS SOMATIQUES TUMEURS SOLIDES

Demande à transmettre à GD-BIOPATH-SECRETARIAT-COREBIOPATH@gustaveroussy.fr

<p>Patient</p> <p>NOM :</p> <p>Prénom :</p> <p>NIP :</p> <p>Date naissance :</p> <p>Sexe <input type="checkbox"/> F <input type="checkbox"/> H</p> <p>Renseignements cliniques</p> <p>Indication :</p> <p>Localisation :</p> <p><input type="checkbox"/> tumeur primitive <input type="checkbox"/> métastase <input type="checkbox"/> rechute <input type="checkbox"/> post-chimio</p> <p>Traitement : <input type="checkbox"/> non <input type="checkbox"/> antérieur <input type="checkbox"/> en cours</p> <p>lequel ? :</p>	<p>Prélèvement</p> <p>Date prélèvement :</p> <p>N° histo :</p> <p>% cellules tumorales :</p> <p>Type prélèvement</p> <p><input type="checkbox"/> biopsie <input type="checkbox"/> pièce opératoire <input type="checkbox"/> cytoponction <input type="checkbox"/> autre</p> <p>Nature prélèvement</p> <p><input type="checkbox"/> tumeur fraîche <input type="checkbox"/> tumeur congelée <input type="checkbox"/> FFPE <input type="checkbox"/> ADN</p>
--	---

Prescripteur

Médecin : Tél : Fax :

Service :

Autre destinataire :

Date de prescription : Signature :

CADRE RESERVE AU LABORATOIRE

Conformité de la demande : oui non

Date réception :
Identifiant technicien(ne) :

PRESCRIPTION (bloc de paraffine ou copeaux ou ADN ou tissu frais ou tumeurs congelées)

<p>Recherche de mutations</p> <p><input type="checkbox"/> Panel Colon (KRAS BRAF NRAS) <input type="checkbox"/> Criblage somatique MMR <input type="checkbox"/> Panel Mélanome (BRAF NRAS KIT) <input type="checkbox"/> Panel Poumon (EGFR KRAS BRAF PIK3CA MET HER2) inclut les fusions <input type="checkbox"/> Panel Ovaire (BRCA HRR) <input type="checkbox"/> Score GIS <input type="checkbox"/> Panel Endomètre (POLE TP53) <input type="checkbox"/> Panel Sein (PIK3CA BRCA HER2 ESR1) <input type="checkbox"/> Panel Prostate (BRCA) <input type="checkbox"/> Panel GIST (PDGFRA KIT) <input type="checkbox"/> Panel Pancréas (BRCA) <input type="checkbox"/> Panel Cholangiocarcinome (fusion FGFR2 / Mutations FGFR2-IDH2) <input type="checkbox"/> Panel Thyroïde carcinome médullaire (RET) <input type="checkbox"/> Panel Thyroïde autre (BRAF NRAS KRAS HRAS) inclut les fusions <input type="checkbox"/> Panel Cordons sexuels (DICER FOXL2) <input type="checkbox"/> CTNNB1 <input type="checkbox"/> Autre gène</p>	<p>Recherche de transcrits de fusion</p> <p><input type="checkbox"/> RNA Seq (fusions sur panel ciblé)</p> <p>Statut MMR tumoral</p> <p><input type="checkbox"/> Test MSI <input type="checkbox"/> IHC à faire <input type="checkbox"/> Hyperméthylation MLH1 <input type="checkbox"/> Hyperméthylation BRCA1</p> <p><input type="checkbox"/> Endopredict</p> <p><input type="checkbox"/> Analyse tissulaire pour la recherche d'une prédisposition au cancer <input type="checkbox"/> tissu sain (de préférence) <input type="checkbox"/> tissu tumoral (par défaut)</p> <p>FISH : <input type="checkbox"/> Sonde (verso) :</p>
--	---

MODE D'ENVOI DES PRELEVEMENTS

<p>En carbo glace (du lundi au jeudi) : - fragments tumoraux congelés</p>	<p>A température ambiante : - prélèvements frais : en milieu de culture type RPMI stérile - bloc de paraffine (joindre 1 lame HES précisant la zone d'intérêt), - lames, copeaux</p>
--	---

Envoi des prélèvements à :
Accueil CORE BIOPATH, GUSTAVE ROUSSY, 114 rue Édouard Vaillant, 94805 VILLEJUIF Cedex

PANEL NGS CIBLE	AKT1,ALK ,BRAF,CTNNB1,DNMT3A,EGFR,ERBB2,ERBB3,FGFR1,FGFR2,FGFR3, FOXL2, GNAS,HRAS, IDH1, IDH2,KIT,KRAS, MAP2K1, MAP2K2,MET, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, PPARG, PTEN, RAF1, RET, ROS1, TERT_PROM, TP53,
PANEL NGS LARGE	AKT1 (exon 3), AKT2 (exon 3), AKT3(exon 2), ALK (exons 20 à 29), APC (exon 2 à 16), AR (exon 4 à 7), ARID1A (exons 1 à 20), ATM (exons 2 à 63), BAP1 (exons 1 à 17), BARD1 (exons 1 à 11), BRAF (exons 11 et 15), BRCA1 (exons 2 à 3 et 5 à 24), BRCA2 (exons 2 à 27), BRIP1(exons 2 à 20), CCND1 (exon 1 à 5), CCNE1 (exons 2 à 12), CDH1 (exons 1 à 16), CDK12 (exons 1 à 14), CDK4 (exon 2), CDK6 (exon 2 à 8), CDKN2A (p16)(p14), CHEK2 (exons 2 à 15), CREBBP (exon 1 à 31), CTNNB1 (exon 3), CYP2D6 (exon 1 à 9), DDR2 (exon 17), DICER1 (exons 2 à 27), DPYD (exon 1 à 23), EGFR (exons 2 à 24), ELP1 (exon 2 à 37), ERBB2 (exons 8, 17 à 25), ERBB3 (exon 3, 6, 8 à 9 et 17 à 23), ESR1 (exons 4 à 8), EZH2 (exon 16), FANCA (exons 1 à 43), FBXW7 (exons 2 à 12), FGFR1 (exons 4, 7, 12, 14 et 15), FGFR2 (exons 3,7 à 9, 12, 14 et 17), FGFR3(exons 7, 9, 12, 14, 16 et 18), FH (exons 1 à 10), FLCN (exon 4 à 14), FOXA1 (exon 2), FOXL2 (exon 1), GATA3 (exon 2 à 6), GNA11 (exon 4 et 5), GNAQ (exon 2, 4 et 5), GNAS (exon 6 , 8 et 9), H3F3A (exon 2), HIST1H3B (exon 1), HOXB13 (exon 1 et 2), HRAS (exon 2 à 4), IDH1 (exon 4), IDH2 (exon 4), KEAP1 (exon 2 à 6), KIT (exons 8 à 21), KRAS (exons 2 à 4), MAP2K1 (exons 2 à 7), MAP2K2 (exons 2 à 7), MED12 (exon 2), MEN1 (exon 3 à 11), MET (exons 1 à 21), MLH1 (exons 1 à 19), MSH2 (exons 1 à 16), MSH6 (exons 1 à 10), MUTYH (exon 1 à 16), MYCN (exon 2), MYOD1 (exon 1), NBN (exon 1 à 16), NF1 (exon 1 à 58), NFE2L2 (exon 2), NRAS (exon 2 à 4), NTRK1 (exons 13 à 17), NTRK2 (exons 17 à 21), NTRK3 (exon 15 à 20), NUDT15 (exon 1 à 3), PALB2 (exons 1 à 13), PDGFRA (exons 12 à 21), PIK3CA (exons 2 à 21), PIK3R1 (exon 2 à 16), PMS2 (exons 1 à 15), POLD1 (exons 5 à 15 et 23 à 24), POLE (exons 9 à 28), PPP2R1A (exon 5 et 6), PTEN (exon 1 à 9), RAC1 (exon 2), RAD51 (exon 2 à 10), RAD51B (exons 2 à 11), RAD51C (exon 1 à 9), RAD51D (exon 1 à 10), RAD54L (exons 1 à 18), RARA (exon 5 à 9), RB1 (exon 1 à 27), RET (exons 8 à 19), RHOA (exon 2), RNF43 (exons 2 à 10), ROS1 (exons 36 à 42), SF3B1 (exons 13 à 20), SMAD4 (exon 2 à 12), SMARCA4 (exon 2 à 36), SMARCB1 (exon 1 à 9), SPOP (exon 5 et 6), STK11 (exon 1 à 9), SUFU (exon 1 à 12), TERT (promoteur) TP53 (exon 1 à 11), TPMT (exon 2 à 9), U2AF1 (exon 2), UGT1A1 (exon 1 à 5), VHL (exon 1 à 3)
FUSION SARCOMES	ALK, BCOR, BRAF, CAMTA1, CCNB3, CIC, COL6A3, CREB3L1, CREB3L2, CRTC1, CSF1, DDIT3, EMILIN2, EPC1, ERG, EWSR1, FOXO1, FUS, GLI1, HMGA2, JAZF1, KANSL1, MEAF6, MET, MKL2, MYH10, NCOA2, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PAX3, PDGFB, PDGFD, PHF1, PLAG1, RET, ROS1, SS18, STAT6, TAF15, TCF12, TFE3, TFG, USP6, WT1, YWHAE, CHMP2A, VCP, RAB7A, GPI
FUSION POUMON	AKT1, ALK, AXL, BRAF, CALCA, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, KRT20, KRT7, MAP2K1, MET, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PIK3CA, PPARG, PTH, RAF1, RET, ROS1, SLC5A5, THADA, TTF1
SONDES DE FISH	ALK, BCL2, BCL2/IGH, BCL6, CCND1/IGH, CDKN2A/CEN9, CKS1B/CDKN2C, COL1A1, COL1A1/PDGFB, DDIT3, ETV6, EWSR1, FGFR1/Cen8, FGFR3/IGH, FOXO1, FOXO1/PAX3, FOXO1/PAX7, FUS, IGH, IGL, IGK, IRF4,DUSP22, HER2/CEP 17, JAZF1, MALT1, MAML2, MDM2/Cen12, MET/Cen7 , MYB, NUTM1, MYC, MYC/CEN8, MYC/IGH, MYCN/2q11, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFB, PDGFRB, RET, ROSS, SS18, TERT, TFE3, TP53/CEN17, USP6, Tel12p, YWHAE